## 综述与其他

# 溃疡性结肠炎与肠道菌群的研究进展\*

## 谈望晶 朱向东\*\* 申 睿 刘 苗 安耀荣

( 甘肃中医药大学,甘肃 兰州 730000)

摘要:溃疡性结肠炎是一种炎症性肠病,临床以腹痛、腹泻、血便等症状为主,其病情极易反复,迁延难愈。 目前研究发现其发生与肠道菌群的失衡关系密切,通过调节失衡的肠道菌群可以起到治疗作用。结合文献,从 正常人的肠道菌群、溃疡性结肠炎患者肠道菌群的变化、肠道菌群在溃疡性结肠炎治疗中的作用、中医药调节肠 道菌群等方面进行综述,希望对溃疡性结肠炎与肠道菌群的关系有一个全新的认识。

关键词:溃疡性结肠炎;肠道菌群;微生态制剂;中医药

中图分类号: R573.1 文献标识码: A 文章编号: 2096 - 1340(2018) 02 - 0109 - 06

DOI:10.13424/j. cnki. jsctcm. 2018.02.033

溃疡性结肠炎(ulcera<sup>1</sup>tive colitis, UC)是一种 常见的慢性非特异性炎症,以腹痛、腹泻、黏液性 脓血便、里急后重、呕吐和体重减轻等为主要临床 表现,以反复发作的肠黏膜溃疡性病变和慢性炎 症性改变为主要病理特点[1]。此病多局限于大肠 黏膜及黏膜下层,好发于乙状结肠和直肠,可延伸 至降结肠,病情严重者可累及全肠。据观察研究 显示,此病在发达国家发病率显著,严重影响患者 生活质量[2-3],近年来我国 UC 的发病率也不断攀 升,其治疗手段仍局限于免疫抑制剂等药物及外 科介入治疗,但药物的副作用层出不穷,外科手术 带来的身心伤害及经济压力更是很多患者难以承 受之重[4-5]。不少研究[6-7] 显示肠道菌群是参与 UC 发病的始动因素,它在肠道免疫系统的激活和 发育中占有重要地位,肠道菌群的失调将造成免 疫失衡。随着近年来该领域研究的不断深入,有 必要引入最新研究成果来阐释二者之间的关系。

#### 1 正常人的肠道菌群

人的肠道是微生物的"王国",正常成年人肠 道细菌的种类在 500~1000 间变动,总数量可达 1013~1014个,细菌编码基因数量是人自身基因 数量的 50~100 倍<sup>[8]</sup>。肠道菌群通过相互依存、相互制约来保持微生物群落的生态平衡,它具有消化、吸收、营养、生物拮抗等生理作用,是生命必需的组成部分。肠道的微生物大致可分为3类:①生理性细菌:以专性厌氧菌为主,包括双歧杆菌、乳杆菌、拟杆菌、梭菌等,与宿主共生,具有营养及免疫调节作用;②条件致病菌:以兼性厌氧菌为主,包括肠球菌、肠杆菌等,与宿主共栖,是肠道非优势菌群,当肠道菌群不平衡或紊乱时对人体有害;③病原菌:也称潜在致病菌属,多为过路菌,长期定植的机会小于前两者,一般情况下并无影响,一旦数量超出正常范围则会致病。

### 2 UC 患者肠道菌群的变化

一系列的动物实验和临床试验已证实 UC 患者存在明显的肠道菌群失调<sup>[9-11]</sup>。首先,UC 患者肠道菌数量有明显变化,这主要体现在益生菌减少和条件致病菌增加,大多数研究<sup>[12-15]</sup>都支持这一观点。其中一些学者提出 UC 患者肠道菌数量的变化在活动期和缓解期有所不同,白鹏等<sup>[16]</sup>研究发现 UC 活动期患者粪便双歧杆菌、乳酸杆菌的数量较正常对照明显减少,而 UC 缓解期患者粪便

<sup>\*</sup> **基金项目:**国家自然科学基金资助项目(8167150826)

<sup>\*\*</sup> 通讯作者:朱向东(1973-),男,教授,研究方向:中医治则治法及其临床应用。E-mail: zhuxiangdong33@ 163.com